

L I S T E D E S E Q U E N C E S

<110> I.N.S.E.R.M.

<120> Moyens pour la régulation de la différenciation  
hématopoïétique

<130> 1113

<140>

<141>

<160> 8

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 21

<212> ADN

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description de la séquence artificielle:  
primer\_bind

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: primer\_bind

<400> 1

catgacaagg cctgcgtccg a

21

<210> 2

<211> 21

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence artificielle:  
primer\_bind

<400> 2

ggcgccctcca cctgtagaac a

21

<210> 3

<211> 33

<212> ADN

<213> Séquence artificielle  
<220>  
<223> Description de la séquence  
artificielle:primer\_bind  
  
<400> 3  
tttggacacac tgcagctgga cgtcgccgac ttt

33

<210> 4  
<211> 33  
<212> ADN  
<213> Séquence artificielle  
  
<220>  
<223> Description de la séquence  
artificielle:primer\_bind  
  
<400> 4  
atcggcagago cagggtctgg gacgactcat agt

33

<210> 5  
<211> 23  
<212> ADN  
<213> Séquence artificielle  
  
<220>  
<223> Description de la séquence  
artificielle:primer\_bind  
  
<400> 5  
tcagcaagaa ctgcaacaac agc

23

<210> 6  
<211> 20  
<212> ADN  
<213> Séquence artificielle  
  
<220>  
<223> Description de la séquence  
artificielle:primer\_bind  
  
<400> 6  
gtgaggaaga tccaggcgaa

20

<210> 7  
<211> 270  
<212> ADN  
<213> Homo sapiens

<400> 7  
actctgcctc gtgcgcgtga gcctggcgca gatcgatttg aatataacct gccgcgttgc 60  
aggtgttac cacgtggaga aaaaatggtcg ctacagcata tctcgacgg agggccgctga 120  
ccctctgcaag gcttcataa gcaccttgcc cacaatggcc cagatggaga aagctctgag 180  
catcggttt gagacactgca ggtatgggtt catagaaggg catgtggtga ttccccggat 240  
ccaccccaac tccatctgtg cagcaaacaa 270

<210> 8  
<211> 90  
<212> PRT  
<213> Homo sapiens

<400> 8  
Leu Cys Leu Val Pro Leu Ser Leu Ala Gin Ile Asp Leu Asn Ile Thr  
1 5 10 15

Cys Arg Phe Ala Gly Val Phe His Val Glu Lys Asn Gly Arg Tyr Ser  
20 25 30

Ile Ser Arg Thr Glu Ala Ala Asp Leu Cys Lys Ala Phe Asn Ser Thr  
35 40 45

Leu Pro Thr Met Ala Gln Met Glu Lys Ala Leu Ser Ile Gly Phe Glu  
50 55 60

Thr Cys Arg Tyr Gly Phe Ile Glu Gly His Val Val Ile Pro Arg Ile  
65 70 75 80

His Pro Asn Ser Ile Cys Ala Ala Asn Asn  
85 90